

1. キナーゼタンパク質

Cytoplasmic Tyrosine Kinases: 非受容体型チロシンキナーゼ

タンパク質のチロシンをリン酸化するキナーゼ。非受容体型のチロシンキナーゼは様々な受容体と共役して機能している。

品名	メーカーコード	コードNo.	容量	希望納入価格(円)
ABL(ABL1) Tyrosine-protein kinase ABL1	08-001	300-81813	5 μ g	33,000
		304-81811	100 μ g	200,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。様々な組織の細胞質/核に局在する。アクチン骨格の再構成などを通して、細胞の分化・分裂・接着・ストレス応答・受容体のエンドサイトーシス・DNAダメージへの応答・アポトーシスなどの幅広い細胞機能に関与する。染色体転移により発生するBCL-ABL融合遺伝子は慢性骨髄性白血病患者の90%以上に見られる。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	300,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	450,000
		-	1mg	600,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Full-length	N-terminal His	Wild type	126 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_005148.2	2-1130(end)	Insect (sf 21)	
ABL(ABL1) [E255K] Tyrosine-protein kinase ABL1(Mutant [E255K])	08-094	306-81913	5 μ g	33,000
		300-81911	100 μ g	200,000
フィラデルフィア染色体を持つ慢性/急性骨髄性白血病、リンパ性急性転換において見られ、Imatinibに耐性を示すミスセンス変異。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	300,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	450,000
		-	1mg	600,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Full-length	N-terminal His	Mutant [E255K]	126 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_005148.2	2-1130(end)	Insect (sf 21)	
ABL(ABL1) [T315I] Tyrosine-protein kinase ABL1(Mutant [T315I])	08-093	309-81903	5 μ g	33,000
		303-81901	100 μ g	200,000
フィラデルフィア染色体を持つ白血病において見られ、Imatinibに耐性を示す、Imatinibとの水素結合部位のミスセンス変異。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	300,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	450,000
		-	1mg	600,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Full-length	N-terminal His	Mutant [T315I]	126 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_005148.2	2-1130(end)	Insect (sf 21)	
ACK(TNK2) Activated CDC42 kinase 1	08-196	300-82653	5 μ g	33,000
		304-82651	100 μ g	250,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。GタンパクCDC42に結合し、そのGTPase活性を阻害する。EGF受容体のクラスリン依存性エンドサイトーシス・ユビキチン依存性分解に関わり、細胞伸展・移動・分裂や神経細胞のシナプス活動・可塑性に関与している可能性が示唆されている。遺伝子コピー数の増幅や過剰発現が乳がん・精巣がんの進行期にみられ、がんの転移能力との相関が見られる。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	350,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	500,000
		-	1mg	700,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Catalytic domain	N-terminal GST	Wild type	69 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_005772.3	110-476	Insect (sf 21)	

品名	メーカーコード	コードNo.	容量	希望納入価格(円)
ARG(ABL2) Abelson tyrosine-protein kinase 2	08-102	303-81923	5 μ g	33,000
		307-81921	100 μ g	200,000
	法規/保管	-	100 μ g \times 2	300,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	450,000
		-	1mg	600,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Truncated protein	N-terminal GST	Wild type	153 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
NP_009298.1	2-52, 74-1182(end)	Insect (sf 21)		
BLK Tyrosine-protein kinase BLK	08-164	300-82413	5 μ g	33,000
		304-82411	100 μ g	200,000
	法規/保管	-	100 μ g \times 2	300,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	450,000
		-	1mg	600,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Full-length	N-terminal GST	Wild type	85 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
NP_001706.2	1-505(end)	Insect (sf 21)		
BMX Cytoplasmic tyrosine-protein kinase BMX	08-179	300-82533	5 μ g	33,000
		304-82531	100 μ g	200,000
	法規/保管	-	100 μ g \times 2	300,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	450,000
		-	1mg	600,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Full-length	N-terminal GST	Wild type	105 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
NP_001712.1	1-675(end)	Insect (sf 21)		
BRK(PTK6) Protein-tyrosine kinase 6	08-165	301-82421	5 μ g	33,000
		307-82423	100 μ g	250,000
	法規/保管	-	100 μ g \times 2	350,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	500,000
		-	1mg	700,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Full-length	N-terminal GST	Wild type	73 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
NP_005966.1	2-451(end)	Insect (sf 21)		

品名	メーカーコード	コードNo.	容量	希望納入価格(円)
BTK Tyrosine-protein kinase BTK	08-080	306-81893	5 μ g	33,000
		300-81891	100 μ g	200,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。主にBリンパ球に発現し、抗原によるB細胞受容体(BCR)刺激によりSRCファミリーのキナーゼLYN, SYKと共に活性化され、B細胞成熟の過程において必須な役割を果たす。肥満細胞の活性化にも関与する。この遺伝子の機能欠損は成熟B細胞の欠如、それによるX連鎖無ガンマグロブリン血症をひきおこす。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	300,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	450,000
		-	1mg	600,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Full-length	N-terminal His	Wild type	79 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_000052.1	2-659(end)	Insect (sf 21)	
CSK Tyrosine-protein kinase CSK	08-111	302-81993	5 μ g	33,000
		306-81991	100 μ g	200,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。SRCファミリーキナーゼ(LCK, SRC, HCK, FYN, LYN or YES1を含む)をリン酸化し、分子内結合を誘導して不活性化することによって、それらをエフェクターとするT細胞受容体・B細胞受容体などを介したシグナルを抑制する。細胞の成長・分化・移動・免疫反応において重要な役割を果たす。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	300,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	450,000
		-	1mg	600,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Full-length	N-terminal GST	Wild type	78 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_004374.1	1-450(end)	Insect (sf 21)	
FAK(PTK2) Focal adhesion kinase 1	08-137	301-82203	5 μ g	33,000
		305-82201	100 μ g	200,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。多くのシグナル経路を介して細胞移動・接着・伸長・アクチン骨格再編成・focal adhesionの形成と分解・細胞周期・増殖・アポトーシスを制御する。胎盤や胎児の発生、心臓の形成、神経発生に必要とされ、骨形成に関与する。インテグリンシグナル伝達にてSRCファミリーのチロシンキナーゼ等と複合体を形成し、RASMAPK経路の上流分子として機能する。成長因子受容体やGタンパク共役型受容体等のシグナリングにおいても機能する。様々ながんにおいて発現の上昇がみられ、RASによる線維芽細胞の形質転換に必要とされる。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	300,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	450,000
		-	1mg	600,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Truncated protein	N-terminal GST	Wild type	103 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_722560.1	376-1052(end)	Insect (sf 21)	
FER Tyrosine-protein kinase FER	08-139	305-82223	5 μ g	39,000
		309-82221	100 μ g	350,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。成長因子受容体やインスリン受容体の下流で機能し、アクチン骨格制御・微細管形成・細胞接着・細胞移動・増殖等に関与する。Fc受容体を介した肥満細胞のシグナリングと脱顆粒、細菌のリボ多糖にตอบสนองしての白血球誘導と血管外遊出に関わる。神経系においては、シナプス形成・シナプス小胞の輸送・シナプス伝達や脳傷害後の神経細胞死に関与する。精巣がん細胞の増殖への発現の相関がみられる。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	500,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	750,000
		-	1mg	1,200,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Full-length	N-terminal GST	Wild type	122 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_005237.1	1-822(end)	Insect (sf 21)	

品名	メーカーコード	コードNo.	容量	希望納入価格(円)
FES Tyrosine-protein kinase FES/FPS	08-140	302-82233	5 μ g	33,000
		306-82231	100 μ g	200,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。成長因子受容体等の下流で機能し、アクチン骨格制御・微小管形成・細胞接着・細胞伸展などに関与する。Fc受容体を介した肥満細胞のシグナリングと脱顆粒、NGFにตอบสนองしての神経細胞分化と神経突起の伸長、HGFにตอบสนองしてのEzrin活性化を通じた細胞移動、B細胞受容体のダウンレギュレーション、骨髄造血、自然免疫に関与する。大腸がんにおいて機能喪失変異が見られ、前骨髄球性白血病への関与の可能性が示唆されている。変異型タンパクは血管新生を促進する。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	300,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	450,000
		-	1mg	600,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Full-length	N-terminal GST	Wild type	120 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_001996.1	1-413, 416-822(end)	Insect (sf 21)	
FGR Tyrosine-protein kinase FGR	08-166	304-82433	5 μ g	33,000
		308-82431	100 μ g	200,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。キナーゼ活性を持たない細胞膜受容体からのシグナルを伝達し、好中球・単核球・マクロファージ・肥満細胞の関わる免疫反応、細胞外刺激に対する細胞骨格の再編成、食作用、細胞接着・移動を制御する。機能する環境によって細胞の応答を活性化したり抑制したりする。ホルモン抵抗性の精巣がんにおいて多少の増幅がみられる。他のがんにおいても遺伝子コピー数の増減が見られる。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	300,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	450,000
		-	1mg	600,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Full-length	N-terminal GST	Wild type	86 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_005239.1	1-529(end)	Insect (sf 21)	
FRK Tyrosine-protein kinase FRK	08-167	301-82443	5 μ g	39,000
		305-82441	100 μ g	350,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。細胞の増殖を抑制する働きを持ち、がん抑制遺伝子として機能する可能性が示唆されている。核に局在し、G1期とS期の間で細胞の成長を抑制する機能をもつ可能性がある。ラット細胞株でのFRKホモログの発現は、NGF非依存的にRap1の活性化と神経突起の伸長を促進する。リンパ系・脳・乳房・結腸・尿道由来の細胞株における発現が報告されている。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	500,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	750,000
		-	1mg	1,200,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Catalytic domain	N-terminal GST	Wild type	60 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_002022.1	223-505(end)	Insect (sf 21)	
FYN[isoform a] Tyrosine-protein kinase FYN[isoform a]	08-168	382-01651	5 μ g	33,000
		388-01653	100 μ g	200,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。細胞の成長、生存、接着、インテグリン依存性シグナリング、細胞骨格再構成、免疫応答など様々な過程に関与する。神経系においては神経突起進展・軸索ガイダンス・ミエリン鞘形成や、シナプス可塑性・学習と記憶・アルツハイマー病等の疾患発現に関与する事が示唆されている。がん細胞の形質転換や浸潤性への関与が示唆されており、ノックアウトマウスはてんかんのモデルとされている。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	300,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	450,000
		-	1mg	600,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Full-length	N-terminal GST	Wild type	88 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_002028.1	1-537(end)	Insect (sf 21)	

品名	メーカーコード	コードNo.	容量	希望納入価格(円)
FYN [isoform b] Tyrosine-protein kinase Fyn[isoform b]	08-531	380-01691	5 μ g	33,000
		386-01693	100 μ g	250,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。細胞の成長、生存、接着、インテグリン依存性シグナリング、細胞骨格再構成、免疫応答など様々な過程に関与する。Isoform bは造血系細胞特にTリンパ級に強く発現し、T細胞の分化増殖に必須なT細胞受容体シグナル伝達経路を制御する。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	350,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	500,000
		-	1mg	700,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Full-length	N-terminal GST	Wild type	87 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_694592.1	1-534(end)	Insect (sf 21)	
HCK Tyrosine-protein kinase HCK	08-169	308-82453	5 μ g	33,000
		302-82451	100 μ g	200,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。造血細胞に発現し、自然免疫、細胞の増殖と生存、アクチン骨格の制御、細胞接着と移動に関与する。免疫グロブリンのFc領域を結合する受容体の下流で機能する。食作用においては脱顆粒の誘導など、respiratory burstの発現を誘導する。HIV-1ウイルスのNefタンパクによる異常活性化はHIV-1の増殖に、BCR-ABL融合遺伝子等による異常活性化はがん細胞の増殖に、それぞれ寄与する。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	300,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	450,000
		-	1mg	600,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Truncated protein	N-terminal GST	Wild type	84 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_002101.2	25-526(end)	Insect (sf 21)	
ITK Tyrosine-protein kinase ITK/TSK	08-181	307-82543	5 μ g	39,000
		301-82541	100 μ g	350,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。T細胞の発生・分化・機能の制御を通して獲得免疫の調節に必須の役割を果たす。抗原提示細胞によるT細胞受容体の活性化に伴い生産されたPIP3によって細胞膜へ誘導され、SRCファミリーキナーゼLCKによって活性化される。ホスホリパーゼC γ の活性化を通して小胞体からのカルシウム放出を誘導し、NFATの核移行と遺伝子転写を促進する。機能異常はリンパ増殖症候群の原因となり、SYK-ITK融合遺伝子がT細胞リンパ腫の一部にみられる。培養細胞において、ITKの抑制はHIVの繁殖を抑制する。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	500,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	750,000
		-	1mg	1,200,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Full-length	N-terminal GST	Wild type	99 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_005537.3	2-620(end)	Insect (sf 21)	
JAK1 Tyrosine-protein kinase JAK1	08-144	304-82271	5 μ g	39,000
		300-82273	100 μ g	350,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。インターフェロン $\alpha/\beta/\gamma$ のシグナル伝達に関与し、IL2受容体等の下流で機能する。受容体リン酸化を通してSTAT転写因子の活性化を促進する。JAK-STAT経路はサイトカイン応答の主要経路である。JAK1欠損マウスは出産時に小さく、周産期中に死亡する。結腸がん、精巣・子宮平滑筋肉腫細胞株で変異が見られる。移植後リンパ増殖性疾患由来のB細胞株で活性化が見られる。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	500,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	750,000
		-	1mg	1,200,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Catalytic domain	N-terminal GST	Wild type	62 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_002218.2	850-1154(end)	Insect (sf 21)	

品名	メーカーコード	コードNo.	容量	希望納入価格(円)
JAK2 Tyrosine-protein kinase JAK2	08-045	308-81853	5 μ g	52,000
		302-81851	100 μ g	500,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。サイトカイン受容体により活性化され、STAT転写活性化因子等を通して細胞の成長、分化、自然免疫・獲得免疫を制御する。エリスロポエチンによる赤血球生成に必要とされ、マウスにおける機能欠損は胎児期致死となる。TEL1との融合遺伝子は骨髄増殖性疾患の原因となる。点変異は骨髄増殖性疾患、真性多血症、白血病、バット・キアリ症候群に相関する。再発急性リンパ芽球性白血病、乳がんにおける恒常活性化型JAK2の阻害剤による抑制はアポトーシスを誘導する。本製品は自己抑制ドメインJH2を含まない。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	700,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	1,000,000
		-	1mg	1,800,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Catalytic domain	N-terminal His	Wild type	39 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_004963.1	826-1132(end)	Insect (sf 21)	
JAK2 (JH1 JH2) Tyrosine-protein kinase JAK2	08-514	301-96571	5 μ g	39,000
		307-96573	100 μ g	350,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。サイトカイン受容体により活性化され、STAT転写活性化因子等を通して細胞の成長、分化、自然免疫・獲得免疫を制御する。エリスロポエチンによる赤血球生成に必要とされ、マウスにおける機能欠損は胎児期致死となる。TEL1との融合遺伝子は骨髄増殖性疾患の原因となる。点変異は骨髄増殖性疾患、真性多血症、白血病、バット・キアリ症候群に相関する。再発急性リンパ芽球性白血病、乳がんにおける恒常活性化型JAK2の阻害剤による抑制はアポトーシスを誘導する。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	500,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	750,000
		-	1mg	1,200,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Catalytic/pseudo-kinase domain	N-terminal GST	Wild type	97 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_004963.1	532-1132(end)	Insect (sf 21)	
JAK2 (JH1 JH2)[V617F] Tyrosine-protein kinase JAK2 (Mutant [V617F])	08-515	308-96581	5 μ g	52,000
		304-96583	100 μ g	500,000
多くのがんで見られるミスセンス変異。恒常的なキナーゼ活性とサイトカインへの高感受性の原因となる。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	700,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	1,000,000
		-	1mg	1,800,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Catalytic/pseudo-kinase domain	N-terminal GST	Mutant [V617F]	97 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_004963.1	532-1132(end)	Insect (sf 21)	
JAK3 Tyrosine-protein kinase JAK3	08-046	305-81863	5 μ g	52,000
		309-81861	100 μ g	500,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。特定のサイトカイン受容体の下流で機能し、受容体リン酸化を通してSTAT転写因子の活性化を促進する事によりサイトカインの種類に応じた反応を制御する。JAK-STAT経路はサイトカイン応答の主要経路である。JAK3はT細胞発生時の造血に必須である。機能喪失変異は重症複合免疫不全に相関し、活性化変異は急性巨核芽球性白血病で認められる。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	700,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	1,000,000
		-	1mg	1,800,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Catalytic domain	N-terminal His	Wild type	41 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_000206.2	795-1124(end)	Insect (sf 21)	

品名	メーカーコード	コードNo.	容量	希望納入価格(円)
LCK Tyrosine-protein kinase LCK	08-170	305-82463	5 μ g	33,000
		309-82461	100 μ g	200,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。T細胞受容体シグナル伝達の重要な分子であり、胸腺におけるT細胞の選択と成熟、成熟T細胞の機能に必須である。活性化されると受容体リン酸化を介してZAP70キナーゼを活性化し、リンフォカインの産生を促すシグナル伝達を開始する。T細胞リンパ腫で発現異常が見られ、白血病にLCKの転座や変異が関連している可能性が示唆されている。マウスでの過剰発現は甲状腺腫瘍を起こす。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	300,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	450,000
		-	1mg	600,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Full-length	N-terminal GST	Wild type	85 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_005347.2	1-509(end)	Insect (sf 21)	
LYNa Tyrosine-protein kinase LYN[isoform a]	08-171	302-82473	5 μ g	33,000
		306-82471	100 μ g	200,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。SRCファミリーに属する。LYN <i>ab</i> ともに多くの組織に発現し、Bは特にB細胞において強い発現を示す。様々な細胞表面受容体の下流で機能し、自然免疫・獲得免疫・炎症・造血・成長因子やサイトカインへの応答・インテグリンシグナリング・遺伝毒性刺激への応答に重要な役割を果たす。ゼブラフィッシュでは酸化還元状態のセンサーとして機能する可能性が示唆されている。急性骨髄性白血病にて過剰活性化が見られ、アンチセンスRNAや薬剤による阻害で細胞増殖が抑制される。特異的阻害剤により精巣がん細胞株の増殖が抑制される。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	300,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	450,000
		-	1mg	600,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Full-length	N-terminal GST	Wild type	86 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_002341.1	1-512(end)	Insect (sf 21)	
LYNb Tyrosine-protein kinase LYN[isoform b]	08-172	309-82483	5 μ g	33,000
		303-82481	100 μ g	200,000
同上	法規/保管	-	100 μ g \times 2	300,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	450,000
		-	1mg	600,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Full-length	N-terminal GST	Wild type	83 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	AAB50019.1	1-491(end)	Insect (sf 21)	
PTK2B Protein-tyrosine kinase 2-beta	08-138	308-82213	5 μ g	33,000
		302-82211	100 μ g	200,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。神経系と造血細胞に主に発現し、アクチン細胞骨格、細胞の極性、移動、接着、骨再構築を制御する。脾臓の辺縁帯B細胞レベルの維持と脾臓B細胞の移動、マクロファージの極性形成と炎症部位への移動、T細胞機能の制御に関与する。SRCキナーゼと共に骨の再吸収を促進する。神経膠腫、肝細胞がん腫、肺がん、乳がんが発現亢進が見られる。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	300,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	450,000
		-	1mg	600,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Full-length	N-terminal GST	Wild type	138 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_775267.1	1-967(end)	Insect (sf 21)	

品名	メーカーコード	コードNo.	容量	希望納入価格(円)
SRC Proto-oncogene tyrosine-protein kinase SRC	08-173	306-82493	5 µg	33,000
		300-82491	100 µg	200,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。様々な膜受容体によって活性化され、遺伝子転写、免疫反応、細胞接着、細胞周期、アポトーシス、細胞移動、がん化など数多くの過程に関与する。様々な組織で発現し、神経細胞、血小板、マクロファージ等の分化細胞では他の5-200倍の発現が見られる。多くの種類のがんで発現亢進が見られ、結腸がんや間質性肉腫で部分欠損した活性化型SRCが報告されている。	法規/保管	-	100 µg × 2	300,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 µg	450,000
		-	1mg	600,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Full-length	N-terminal GST	Wild type	87 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_005408.1	1-536(end)	Insect (sf 21)	
SRM(SRMS) Tyrosine-protein kinase SRMS	08-174	303-82501	5 µg	33,000
		309-82503	100 µg	200,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。SRCファミリーに属するが、SRCが持つN末のミリスチル化部位とC末の抑制性リン酸化部位を持たない。これらはTECキナーゼの特徴であるが、SRMのN末はTECキナーゼと異なる構造的特徴を持つ。様々な組織に発現する。ノックアウトマウスにおいては表現型は認められていない。	法規/保管	-	100 µg × 2	300,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 µg	450,000
		-	1mg	600,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Catalytic domain	N-terminal GST	Wild type	58 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_543013.1	215-488(end)	Insect (sf 21)	
SYK Tyrosine-protein kinase SYK	08-176	303-82523	5 µg	33,000
		307-82521	100 µg	250,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。多くの受容体の下流で機能し、自然免疫、獲得免疫、細胞接着、破骨細胞の成熟、血小板の活性化、血管発生に関与する。B細胞受容体シグナリングに必要な分子として発見され、T細胞受容体シグナリングにも関わる。樹状細胞、肥満細胞、好中球の活性化を制御する。乳がんを抑制し、がんの進行にともなって発現低下が見られる。小児急性リンパ性白血病にて異常なスプライスフォームが見られる。炎症の創薬ターゲットである。	法規/保管	-	100 µg × 2	350,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 µg	500,000
		-	1mg	700,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Full-length	N-terminal GST	Wild type	99 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_003168.2	1-635(end)	Insect (sf 21)	
TEC Tyrosine-protein kinase TEC	08-182	308-82551	5 µg	33,000
		304-82553	100 µg	200,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。多くの造血系細胞株で発現し、獲得免疫、骨髄細胞の成長と分化などに関与する。T細胞、ナチュラルキラーT細胞の分化と機能、T細胞受容体によるIL2産生、肥満細胞のサイトカイン産生に必要とされる。B細胞の発生における受容体シグナリングでBTKキナーゼと重複した機能を持つ。インテグリンシグナリングの下流で血小板の活性化に関与する。	法規/保管	-	100 µg × 2	300,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 µg	450,000
		-	1mg	600,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Catalytic domain	N-terminal GST	Wild type	59 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	AAI01712.1	359-631	Insect (sf 21)	

品名	メーカーコード	コードNo.	容量	希望納入価格(円)
TNK1 Non-receptor tyrosine-protein kinase TNK1	08-104	300-81933	5 μ g	156,000
		304-81931	100 μ g	1,400,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。胎児組織に広く発現し、成体においては臍帯血・骨髄と、その他の少数の組織に発現する。TNK1はGRB2, SOS1を通してRASの活性を抑制し、がん抑制能を持つ事が発見された初めてのチロシンキナーゼである。白血病細胞株の多くに発現する。ノックアウトマウスは高確率でリンパ腫・がん腫を発症する。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	2,000,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	3,000,000
		-	1mg	4,800,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Catalytic domain	N-terminal GST	Wild type	58 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	Q13470-2	106-390	Insect (sf 21)	
TXK Tyrosine-protein kinase TXK	08-183	305-82561	5 μ g	33,000
		301-82563	100 μ g	200,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。獲得免疫において、ITKキナーゼと重複した機能を果たす。T細胞、ナチュラルキラーT細胞の発生・分化・機能を制御する。ITKキナーゼと同様に、ホスホリパーゼC γ の活性化を通して小胞体からのカルシウム放出を誘導し、NFATの核移行と遺伝子転写を促進する。PARP1, EEF1A1と共にヘルパーT細胞特異的転写因子複合体を形成し、ヘルパーT細胞のサイトカイン産生に関与する。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	300,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	450,000
		-	1mg	600,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Catalytic domain	N-terminal GST	Wild type	58 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_003319.1	260-527(end)	Insect (sf 21)	
TYK2 Non-receptor tyrosine-protein kinase TYK2	08-147	307-82283	5 μ g	33,000
		301-82281	100 μ g	250,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。インターフェロン α (IFNA)、インターロイキン23等の刺激の細胞内伝達に必要とされる。IFNA受容体の内在化を抑制し、細胞表面への発現を安定させる。TYK2欠損は、抗酸菌症を伴う高IgE症候群として知られるTYK2欠損症の原因となり、患者由来T細胞においてはTh1ヘルパー細胞への分化が阻害されTh2への分化が促進される。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	350,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	500,000
		-	1mg	700,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Catalytic domain	N-terminal GST	Wild type	63 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_003322.3	871-1187(end)	Insect (sf 21)	
YES(YES1) Tyrosine-protein kinase YES	08-175	300-82511	5 μ g	33,000
		306-82513	100 μ g	200,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。受容体型チロシンキナーゼによって活性化され、細胞の成長、生存、接着、細胞骨格の再構築、分化、細胞周期を制御する。EGF受容体の刺激に対して上皮細胞の密着結合を、T細胞刺激によって細胞の移動を促進する。胃がんにおいて遺伝子増幅の例があり、結腸がん種細胞株・腫瘍、メラノーマ細胞株において活性の亢進が見られる。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	300,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	450,000
		-	1mg	600,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Full-length	N-terminal GST	Wild type	88 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_005424.1	1-543(end)	Insect (sf 21)	

品名	メーカーコード	コードNo.	容量	希望納入価格(円)
YES(YES1)[T348I] Tyrosine-protein kinase Yes (Mutant [T348I])	08-533	301-99631	5 μ g	39,000
		-	100 μ g	350,000
ATP結合ポケット中のミスセンス変異。チロシンキナーゼ阻害剤ピリド [2,3-d] ピリミジン系化合物への耐性を与える。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	500,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	750,000
		-	1mg	1,200,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Full-length	N-terminal GST	Mutant [T348I]	88 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_005424.1	1-543(end)	Insect (sf 21)	
ZAP70 Tyrosine-protein kinase ZAP-70	08-377	302-82691	5 μ g	52,000
		308-82693	100 μ g	500,000
TKグループに分類される非受容体型チロシンキナーゼ。T細胞、ナチュラルキラー細胞、pro/preB細胞、胸腺細胞に発現し、獲得免疫反応に必要とされる。T細胞の活性化・細胞移動・接着・サイトカイン発現、胸腺細胞の生存と細胞周期進行を制御する。例えばT細胞受容体の刺激に対し、受容体にリクルートされて活性化し、LCKキナーゼによって活性を安定化されて下流にシグナルを伝える。変異は選択的なT細胞障害の原因となる。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	700,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	1,000,000
		-	1mg	1,800,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Full-length	Tag-free	Wild type	70 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	NP_001070.2	1-619(end)	Insect (sf 21)	

Receptor Tyrosine Kinases: 受容体型チロシンキナーゼ

タンパク質のチロシンをリン酸化するキナーゼ。リガンド依存的に活性化され細胞外からの様々なシグナルを伝達する。

品名	メーカーコード	コードNo.	容量	希望納入価格(円)
ALK ALK tyrosine kinase receptor	08-518	305-88161	5 μ g	39,000
		301-88163	100 μ g	350,000
TKグループに分類される受容体型チロシンキナーゼ。脳・中枢神経系において高発現し神経系の発生に重要である。成長因子PTNの刺激によりMAPKを活性化し細胞増殖を制御する。PTN関連因子のMDK刺激によりMAPK/PI3Kを活性化し細胞増殖を誘導する。NPM1との融合遺伝子NPM1-ALKは恒常的活性を持ち、非ホジキンリンパ腫の5-10%に見られる。別の融合遺伝子EML4-ALKは非小細胞肺癌、ALK遺伝子の異常は未分化リンパ腫・神経芽細胞腫・神経膠腫に関与する事が知られている。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	500,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	750,000
		-	1mg	1,200,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Cytoplasmic domain	N-terminal GST	Wild type	90 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	BAG10812.1	1058-1620(end)	Insect (sf 21)	
ALK [C1156Y] ALK tyrosine kinase receptor (Mutant [C1156Y])	08-530	301-96331	5 μ g	33,000
		307-96333	100 μ g	250,000
ATP結合部位最深部 gatekeeper 部位のミスセンス変異。EML4-ALKに対するALK阻害剤での治療後に見られ、ALK阻害剤全般に対する耐性を与える。	法規/保管	-	100 μ g \times 2	350,000
	カルタヘナ /-80°C	-	500 μ g	500,000
		-	1mg	700,000
	Length	Tag	Form	M.W.
	Cytoplasmic domain	N-terminal GST	Mutant [C1156Y]	90 kDa
	Accession No.	Amino Acid	Expression System	
	BAG10812.1	1058-1620(end)	Insect (sf 21)	